



## SNP基因分型技术服务

# SNP Genotyping Service by Beyotime







碧云天生物技术/Beyotime Biotechnology 订购热线: 400-168-3301或800-8283301

技术咨询: info@beyotime.com 技术服务: service@beyotime.com

网址: http://www.beyotime.com

服务介绍

➤ SNP (Single Nucleotide Polymorphisms,单核苷酸多态性)是由基因组上单个核苷酸改变而引起的DNA序列多态性,包括碱基的转换、颠换以及单碱基的插入、缺失等,是基因突变的一种。人类基因组中SNP位点总数超过300万个,且每个位点的多态性丰富。在人类可遗传的变异中,SNP占比超过90%。由于SNP在人类基因组中数量较多,发生频率较高,因此被认为是继微卫星之后的新一代遗传学标记,在医学遗传学、药物遗传学、疾病遗传学、疾病诊断学、以及人类进化等研究领域都有着很高的研究价值和应用前景。



### 服务介绍

➤ SNP研究是人类基因组计划走向应用的重要步骤。大量存在的SNP位点,使人们有机会发现与各种疾病,包括肿瘤相关的基因组突变。研究发现,人体许多表型差异、对药物或疾病的易感性等等都与SNP有关。

➤ 碧云天在SNP位点分析检测方面积累了丰富的经验,不仅拥有先进的仪器设备,更设计开发出多种检测手段,包括直接测序法、KASP分型法、连接酶检测反应(LDR)分型方法、多重SNaPshot SNP分型方法、Taqman探针法等。



服务介绍

#### > 直接测序法

技术原理:将待检测片段进行PCR扩增并直接测序,是SNP检测方法中最准确的方法。纯合位点为单峰,而杂合峰为套峰,因而很容易将几种基因型区分开来。直接测序法不仅可用于对已知位点的检测,还可用于发现未知的SNP位点。



服务介绍

#### **▶ KASP分型法**

技术原理: KASP (Kompetitive Allele Specific PCR, 竞争性等位基因特异性PCR) 只需要设计并合成普通扩增引物,并利用分别带有FAM、HEX或BHQ1修饰的通用探针引物即可实现对基因多态性位点的检测。该方法不仅可以检测SNP多态性位点,对插入缺失和特定的基因组中5甲基胞嘧啶都可以实现检测。该方法不仅缩短了基因多态性检测周期,同时也大大降低了检测成本。



服务介绍

## ➤ 连接酶检测反应(LDR)分型法

技术原理:主要应用连接酶检测反应 (ligase detection reaction, LDR)技术。即在Taq DNA连接酶的作用下,当左右两条寡核苷酸探针与目的DNA序列完全互补,并且两条探针之间没有空隙时才能发生连接反应,否则连接反应不能进行,最后通过荧光扫描片段长度,实现对SNP 位点的检测。



服务介绍

#### ➤ 多重SNaPshot SNP分型法

技术原理: SNaPshot SNP分型是一种以单碱基延伸原理为基础,同时利用多重PCR对多个已知SNP 位点进行遗传分型的方法。在一个含有测序酶,四种荧光标记的ddNTP,紧挨多态位点5′端的不同长度延伸引物和PCR产物模板的反应体系中,引物延伸一个碱基即终止,经ABI 3730 测序仪跑胶后,根据峰的颜色可知掺入的碱基种类,从而确定该样本的基因型,根据峰移动的胶位置确定该延伸产物对应的SNP位点。



服务介绍

## ➤ Taqman探针法

技术原理:在PCR 反应系统中加入2 种不同荧光标记的探针,它们可分别与2 个等位基因完全配对。正常情况下,由于探针5′端荧光基团和3′端淬灭基团紧邻在一起,荧光被淬灭。随着PCR 的有效进行,与模板完全配对的探针逐步被Taq DNA 聚合酶5′→3′外切酶活性切割,致使探针5′端上的荧光基团与3′端的淬灭基团分离,淬灭效应解除,报告荧光基团被激活;而与模板不能完全配对的探针(代表另一种等位基因)不能被有效切割,故检测不到荧光信号,通过相应仪器检测荧光值的变化即可实现SNP位点检测。



### 服务优势

- 个性服务:碧云天在SNP基因分型检测方面积累了丰富经验,可根据客户需要设计个性化检测方案。
- 极速周期:碧云天拥有多种检测平台,可实现快速、稳定的SNP基因分型 检测。
- 高性价比:碧云天一如既往地贯彻以最优惠的价格为客户提供最全面、专业的服务。



服务流程

客户寄送样品

DNA提取及质检

SNP检测分析

发送结果与报告



### 客户须知

#### ▶ 1、SNP位点信息:

检测人类基因组需提供SNP位点的rs号;其它物种如牛、鸡、鱼等无rs号的,需提供SNP位点上下游各200bp的确切序列,SNP位点的突变类型,以及告知位点的上下游25bp内是否存在其它位点。

#### ▶ 2、分型样品:

- 若分型样品为基因组DNA或质粒DNA , 样品要求: DNA浓度≥20ng/ul, 体积>10ul, 位点较多的按照1ul/位点计算。纯度 OD 260/0D280 在1.7~1.9之间。如果要求提供样品纯化服务, 我们对每个样品将收取相应纯化费。
- 若分型样品为血样,样本要求:血液样品,体积大于500ul,需用抗凝剂抗凝,送样过程中请注意保持低温,防止DNA降解;血斑样品,9-25mm2大小的血斑两个以上。
- 客户在寄送样品的时候,应在送样包裹中放置足量的冰袋,以减少在运输过程中因温度变化导致DNA降解的可能。请在每次寄出样品后及时与本公司项目负责人联系,告知样品的详细信息,以便收到样品后能第一时间内处理。



### 服务内容

#### > 碧云天SNP询价与订购

- 1.请您下载并填写碧云天SNP基因分型技术服务询价单,发送至 service@beyotime.com,我们将第一时间为您提供报价。
- 2. 若有订购意向, 碧云天的技术服务人员会与您联系, 并签订碧云天SNP基因 分型技术服务协议书。

#### > 碧云天SNP分析交付

- SNPs结果(Excel表格)
- 原始SNP峰型图
- 完整实验报告包括扩增和反应的体系,所涉及的引物、探 针序列等。



# Thank

# You





岩云大网近



微信公众号

碧云天生物技术/Beyotime Biotechnology 订购热线: 400-168-3301或800-8283301

技术咨询: info@beyotime.com 技术服务: service@beyotime.com 网址: http://www.beyotime.com

